

Visualisation de molécules avec Libmol.org

Sélection par éditeur de commande

Sélections prédéfinies
Le bouton masque ou montre le composant

Représentations de la sélection

Colorations de la sélection

Aide contextuelle (au survol d'une commande)

Remarque : la sélection active et ses propriétés apparaissent en bleu

Espace de travail

Hémoglobine humaine oxygénée

Réglages : couleur arrière-plan, plan de coupe,...

Capture d'écran

Mesures

Survol à la souris : nom de l'atome du résidu et de la molécule

Clic gauche : rotation
Clic droit : translation
Molette : zoom

Code couleur de la dernière coloration utilisée
Affichage des noms au survol

% atomes sélectionnés et masqués (surbrillance au survol)

Mode séquence

A	B	C	D
VAL	VAL	VAL	VAL
LEU	HIS	LEU	HIS
SER	LEU	SER	LEU
PRO	THR	PRO	THR
ALA	PRO	ALA	PRO
ASP	GLU	ASP	GLU
LYS	GLU	LYS	GLU
THR	LYS	THR	LYS
ASN	SER	ASN	SER
VAL	ALA	VAL	ALA
LYS	VAL	LYS	VAL
ALA	THR	ALA	THR
ALA	ALA	ALA	ALA
TRP	LEU	TRP	LEU
GLY	TRP	GLY	TRP
LYS	GLY	LYS	GLY
VAL	LYS	VAL	LYS

Tout Aucun Inverser

Sphères Boules et bâtonnets Masquer/Montrer

Chaînes du modèle. En bleu, chaîne entièrement sélectionnée

Clic droit : masquer/montre un résidu ou une chaîne

Survol d'un résidu ou d'une chaîne : identification et mise en surbrillance

Les résidus sélectionnés apparaissent en bleu

Sélections prédéfinies

Modes de représentation appliqués à la sélection

Couleurs appliquées à la sélection

Mesures de distances et d'angles

Choisir le type de mesure

Activer la mesure des distances

Effacer les mesures réalisées

Repérage en rouge, des atomes choisis pour la mesure (**cliquer** pour sélectionner)

Éditeur de commandes

:H

Chaîne

:H Chaîne H (Long neurotoxin 1)

Résidu

HIS Histidine

Mot-clé

hetero hétéro atomes

helix Structures en hélice

Saisir la commande de sélection

Valider la sélection réalisée

Fermer l'éditeur

Nombre d'atomes (également en surbrillance)

Suggestions correspondantes aux lettres en cours de frappe

Après validation, la sélection devient un bouton éditable